

美国《化学文摘》CA 日本科学技术振兴机构数据库JST 北大核心期刊 中国生物医学文献系统SinoMed收录期刊 中国精品科技期刊 英国《食品科技文摘》FSTA 中国科技核心期刊CSTPCD RCCSE中国核心学术期刊 中国农林核心期刊A

恒山黄芪¹H–NMR指纹图谱的研究

张弘弛,刘 瑞,巴德方,李 慧,杨 阳,周 凤 ¹H-NMR Fingerprint of Hengshan Astragalus membranaceus ZHANG Hongchi, LIU Rui, BA Defang, LI Hui, YANG Yang, and ZHOU Feng

在线阅读 View online: https://doi.org/10.13386/j.issn1002-0306.2021030120

您可能感兴趣的其他文章

Articles you may be interested in

冬虫夏草水提物HPLC指纹图谱及模式识别分析

HPLC Fingerprint and Pattern Recognition Analysis of Aqueous Extracts from *Ophiocordyceps sinensis* 食品工业科技. 2018, 39(22): 219–224

佛手的¹H-NMR指纹图谱研究

Study on ~1H-NMR fingerprinting of Citrus medica L.var.sarcodactylis Swingle 食品工业科技. 2017(11): 291–294

指纹图谱在食品分析中的应用研究进展

Advances in Application of Fingerprint Technology in Food Analysis 食品工业科技. 2021, 42(12): 413-421

基于HPLC指纹图谱的木薯叶类黄酮质量研究

Cassava Leaf Flavonoids Quality Investigation Based on HPLC Fingerprint 食品工业科技. 2021, 42(15): 240–246

基于气相-离子迁移谱技术分析烤羊肉串的挥发性风味成分

Analysis of Volatile Flavor Substances in Mutton Shashlik Based on GC-IMS Technology 食品工业科技. 2021, 42(8): 256-263

杏仁油挥发性成分指纹图谱的构建及掺伪定量检测方法研究

Detection method research of adulteration of apricot kernel oil based on fingerprint of volatile components 食品工业科技. 2017(01): 296–299



关注微信公众号,获得更多资讯信息

张弘弛, 刘瑞, 巴德方, 等. 恒山黄芪¹H-NMR 指纹图谱的研究 [J]. 食品工业科技, 2022, 43(1): 47-55. doi: 10.13386/j.issn1002-0306.2021030120

ZHANG Hongchi, LIU Rui, BA Defang, et al. ¹H-NMR Fingerprint of Hengshan *Astragalus membranaceus*[J]. Science and Technology of Food Industry, 2022, 43(1): 47–55. (in Chinese with English abstract). doi: 10.13386/j.issn1002-0306.2021030120

恒山黄芪¹H-NMR 指纹图谱的研究

张弘弛,刘 瑞*,巴德方,李 慧,杨 阳,周 凤

(山西大同大学农学与生命科学学院,山西大同大学应用生物技术研究所,山西大同 037009)

摘 要:目的:建立恒山黄芪的氢核磁共振指纹图谱,为恒山黄芪的质量控制提供依据。方法:采用超声波复合酶 法提取恒山黄芪化学成分;以氘代氯仿为提取溶剂,在25℃下采用标准的预饱和脉冲序列压制水峰建立10批不 同来源恒山黄芪的氢核磁共振指纹图谱,通过"加标准品定性"实验、数据库比对和相关文献比对进行信号归属, 采用相关系数法计算10批不同来源恒山黄芪¹H-NMR指纹图谱的相似度,并进行重复性、精密度及稳定性考察, 基于SIMCA软件进行主成分分析,进行药材的质量评价。结果:从恒山黄芪药材中检测分析出24种化合物,包 括三萜皂苷、异黄酮、氨基酸、有机酸、糖等。10批恒山黄芪的指纹图谱相似度均>0.9,平均为0.975,与蒙古黄 芪和甘肃黄芪对比分析,恒山黄芪的异黄酮含量高于两者。PCA结果显示,前三个主成分的累积贡献率为 89.8%,与相似度评价结果基本一致。结论:建立的¹H-NMR方法具有快速简便的优点,可为恒山黄芪的质量控制 及使用提供参考。

关键词:恒山黄芪,氢核磁共振,异黄酮,皂苷,指纹图谱,主成分分析

中图分类号:Q946.8 文献标识码:A 文章编号:1002-0306(2022)01-0047-09 **DOI**: 10.13386/j.issn1002-0306.2021030120



¹H-NMR Fingerprint of Hengshan Astragalus membranaceus

ZHANG Hongchi, LIU Rui*, BA Defang, LI Hui, YANG Yang, ZHOU Feng

(School of Agriculture and Life Sciences, Shanxi Datong University, Applied Biotechnology Institute, Shanxi Datong University, Datong 037009, China)

Abstract: Objective: To establish a hydrogen nuclear magnetic resonance (¹H-NMR) fingerprint of Hengshan *Astragalus membranaceus*, and provide a basis for its quality control. Method: The chemical components were extracted by ultrasonic assisted enzymatic method. Using deuterated chloroform as the extraction solvent, a standard pre-saturated pulse sequence was used to suppress water peaks at 25 $^{\circ}$ C to establish ¹H-NMR fingerprints of 10 batches of *A. membranaceus* from different sources. The signal attribution was assigned by the qualitative standard addition test, database comparison and related literature comparison. The correlation coefficient method was used to calculate the similarity of ¹H-NMR fingerprints, and the repeatability, precision and stability were investigated. Principal component analysis based on SIMCA was used to evaluate the quality of medicinal materials. Results: 24 compounds were detected and analyzed from Hengshan *A. membranaceus*, including triterpene saponins, isoflavones, amino acids, organic acids, sugars and so on. The similarities of fingerprints were higher than 0.9 with an average of 0.975. Compared with Mongolian *Astragalus membranaceus* and Gansu *Astragalus membranaceus*, the content of isoflavones in Hengshan *Astragalus membranaceus* was higher than both. PCA results showed that the cumulative contribution rate of the first three principal components was 89.8%, which was basically consistent with the similarity evaluation results. Conclusion: The established ¹H-NMR method had the advantages of quickness and simplicity, which could provide reference for the quality control of Hengshan *A. membranaceus*.

Key words: Hengshan *Astragalus membranaceus*; hydrogen nuclear magnetic resonance; isoflavones; saponins; fingerprint; principal component analysis

收稿日期: 2021-03-10

基金项目:山西省应用基础研究计划项目(编号:201901D111313);山西省高等学校科技创新项目(编号:2020L0469);山西大同大学科研基金项目(编 号:2019K15)。

作者简介:张弘弛(1980-),男,博士,副教授,研究方向:天然药物化学,E-mail:zhanghclw@163.com。

^{*} 通信作者:刘瑞(1982-),女,博士,副教授,研究方向:天然药物生物合成,E-mail:liurlw@163.com。

恒山黄芪,为国家地理标志保护产品,主产于山 西省大同市浑源县,在广灵县、灵丘县等地也有分 布[1-3]。天然药物研究证实,黄芪的主要药效成分为 皂苷类、黄酮类、多糖类等,具有改善人体免疫系统, 针对治疗心脑血管疾病和肾脏疾病等的作用[4-6]。伴 随着恒山黄芪的市场占有率逐年提升,需要有明确的 检测方法,判断恒山黄芪的质量差异性。现行的高效 液相色谱技术(High Performance Liquid Chromatography, HPLC)在评定中药材的均一性和差异性时具 有检测灵敏度较高[7-9]的特点,但由于中药材具有成 分复杂、难分离特点,通过 HPLC 建立的指纹图谱主 要侧重于中药材的相似性评价,难以在差异性方面进 行评价,因此需要一种兼顾相似性评价和差异性评价 同时能快速检测中药材化学成分的方法。核磁共振 (Nuclear Magnetic Resonance, NMR)技术具有分析 速度快、无偏向性且对样品依赖较少的特点[10-11],适 于分析中药材的复杂成分,是对传统方法的改良。而 ¹H-NMR 被应用于天然药物差异性和均一性的评 价[12-15],是因为相对于高效液相指纹图谱,氢核磁共 振具有更高的灵敏性,更佳的分离性[16-17],因而对天 然药物中低含量的药用成分可做更详细的定性和定 量分析。同时该技术不需要绘制标准曲线,且对样品 要求低,可快速检测天然药物中不稳定的化合物,成 为了国内外药材评价的研究方法[18-21]。

主成分分析 (Principal Component Analysis, PCA)在进行数据处理时,能有效压缩数据,将分散的 信息集合到主成分上,主成分是多个初变量按照不同 权重合成的新变量,通过数据组合成新变量不仅可以 描述数据集内部的结构,同时还可以对数据进行降维 处理^[22-23]。通过¹H-NMR 技术测定天然药物的氢核 磁共振指纹图谱,分析图谱,可获得多种有机化学成 分的信息,同时结合 PCA 技术,可得到具有统计学 意义的综合数据,再使用软件分析数据,得到直观图 形,可达到整体分析药物化学成分的目的。

本研究采用超声波复合酶法提取恒山黄芪化学成分,¹H-NMR 技术测定恒山黄芪的¹H-NMR 指纹图 谱,并进行重复性、精密度及稳定性考察,进而对其 化学成分进行主成分评价。目的是通过该研究建立 一种简单准确的恒山黄芪化学成分的评价方法。

1 材料和方法

1.1 材料与仪器

10 批恒山黄芪 样品的来源见表 1,经山西大 同大学生命科学学院周凤教授鉴定均为恒山黄芪 (Astragalus membranaceus);对比分析选用的甘肃黄 芪和蒙古黄芪 均购自于不同产区(见表 1);芒柄花 苷、毛蕊异黄酮、黄芪皂苷 I、II、III 对照品,上海 源叶生物科技有限公司(质量分数>98%);芒柄花素、 毛蕊异黄酮苷、黄芪甲苷 对照品,成都瑞芬思生物 科技有限公司(质量分数>98%);氘代氯仿(CDCl₃)

上海吉至生化科技有限公司;纤维素酶(3 U/mg) 和氏璧生物科技有限公司;果胶酶(30 U/mg) 上 海蓝季科技发展有限公司;糖化酶(10 U/mg) 上海 源叶生物科技有限公司。

Avance Ⅲ 500 MHz 型核磁共振波谱仪 德国 布鲁克公司; THC-2B 超声波提取器 济宁天华超声 电子仪器有限公司; XFB-2600 小型粉碎机 吉首市 中诚制药机械厂; RE-52AA 旋转蒸发仪 上海亚荣 生化仪器厂; AXTGL16M 微量台式冷冻离心机 上 海赵迪生物科技有限公司。

1.2 实验方法

1.2.1 恒山黄芪化学成分的提取

1.2.1.1 酶制剂的制备 准确称取纤维素酶、果胶酶 (质量比 1:1)共 0.625 g, 加少量去离子水, 溶解后,

编号	样品采集地	纬度(°)	经度(°)	海拔(m)	药材年限	采样时间	
Am-01	山西浑源县官儿乡穆家庄村	39.46	113.66	1623	3年恒山黄芪	2020.7	
Am-02	山西浑源县官儿乡界板沟村	39.48	113.56	1845	5年恒山黄芪	2020.7	
Am-03	山西浑源县大仁庄乡黄土坡村	39.69	113.83	1728	7年恒山黄芪	2020.7	
Am-04	山西浑源县官儿乡官儿村	39.52	113.65	1689	3年恒山黄芪	2020.8	
Am-05	山西浑源县裴村乡小峪沟	39.54	113.58	1910	5年恒山黄芪	2020.7	
Am-06	山西浑源县东坊城乡龙山村	39.68	113.66	1270	5年恒山黄芪	2020.8	
Am-07	山西浑源县千佛岭乡温庄村	39.45	113.75	1782	7年恒山黄芪	2020.7	
Am-08	山西浑源县千佛岭乡宽坪村	39.48	113.77	1768	5年恒山黄芪	2020.8	
Am-09	山西浑源县千佛岭乡泽青岭村	39.44	113.73	1691	10年恒山黄芪	2020.7	
Am-10	山西浑源县青磁窑乡南张庄村	39.60	113.76	1856	3年恒山黄芪	2020.8	
蒙古黄芪-01(购买)	内蒙古自治区赤峰(产地)				3年	2020.8	
蒙古黄芪-02(购买)	内蒙古自治区乌兰察布(产地)				3年	2020.8	
蒙古黄芪-03(购买)	内蒙古自治区包头(产地)				3年	2020.8	
甘肃黄芪-01(购买)	甘肃省陇西县(产地)				3年	2020.8	
甘肃黄芪-02(购买)	甘肃省岷县(产地)				3年	2020.8	
甘肃黄芪-03(购买)	甘肃省渭源县(产地)				3年	2020.8	

表 1 恒山黄芪来源和年限 Table 1 Source and age of Hengshan *Astragalus membranaceus*

定容于 25 mL容量瓶中,制成 25 mg/mL 的复合酶制剂,备用。准确称取糖化酶 0.625 g,加少量去离子水后定容于 25 mL的容量瓶中,制成 25 mg/mL 的酶制剂,备用。

1.2.1.2 复合酶超声提取 分别称取 10 个采样地点的干燥粉碎的黄芪 10 g 于 250 mL 三角瓶中,加入复合酶制剂的量分别为 2 mL 复合酶和 2 mL 糖化酶溶液,加去离子水 46 mL,调节 pH 缓冲体系至 5.5, 酶解 40 min,温度设置 60 ℃,搅拌转速 80 r/min,酶解完成后,添加 50 mL 无水甲醇,设置超声条件:超声功率为 200 W,时间 45 min,设置相同条件,重复提取一次,过滤合并滤液,90 ℃ 灭活 30 s,减压浓缩后,冷冻干燥。

1.2.2 ¹H-NMR 的测定

1.2.2.1 核磁分析样品的制备 取上述 10 mg 恒山 黄芪提取物,加 2 mL 氘代氯仿,放入容量为 5 mL 的 离心管中,设置离心条件:转速为 13000 r/min,时间 为 10 min,得上清液,将其转至核磁管中,用于恒山 黄芪化学成分的¹H-NMR 分析。

1.2.2.2 ¹H-NMR 测定条件 测定温度为 25 ℃, ¹H-NMR 测定条件设置为:频率 500 MHz, 扫描次数 64 次, 谱宽为 12345.7 Hz, 傅里叶变换 0.188 Hz, 脉 冲间隔 D1 为 1.0 s, 延迟时间(RD)为 1.0 s。手动进 行相位、基线以及峰校正。采用 noesyppr1d 脉冲序 列压制水峰, 内标为 TSP。

1.2.3 方法学考察

1.2.3.1 精密度实验 以3年恒山黄芪(编号 Am-01)提取液为标准供试品溶液,在设定的¹H-NMR 条 件下测定 5 次核磁图谱,用 MetreNova 软件处理图 谱,采用下述核磁数据分析方法,计算 5 组数据之间 的相对峰面积积分值间的相关系数,分析仪器精 密度。

1.2.3.2 重复性实验 取3年恒山黄芪(编号Am-01) 提取液,进行重复性实验,在设定的¹H-NMR条件下 连续测定核磁图谱,用 MetreNova软件处理图谱,采 用下述核磁数据分析方法,计算5组数据之间的 相对峰面积积分值间的相关系数,分析实验重复性 情况。

1.2.3.3 稳定性实验 取 3 年恒山黄芪(编号 Am-01) 提取液,进行稳定性实验,温度条件为 25 ℃(即室温 条件),分别放置 0、4、8、12、24 h 后,在设定的¹H-NMR 条件下分别测定核磁图谱,用 MetreNova 软件 处理图谱,采用下述核磁数据分析方法,计算 5 组数 据之间的相对峰面积积分值间的相关系数,分析实验 稳定性情况。

1.3 数据处理

1.3.1 核磁数据分析 将基于 MestreNova 8.0 分析 处理得到的核磁指纹图谱, 对其进行定标、相位以及 基线校正处理, 以 0.04 ppm 为单位对图谱进行分段

积分,位置区间为 0~8.5 ppm,设置总峰面积为参照物,对其进行归一化处理,得到各化学位移段对应的 信号峰面积值,分析处理得到的数据。在 Excel 软件 中分析处理积分得到的数据用于后续分析。

1.3.2 主成分分析 将上述不同来源的恒山黄芪样 品的¹H-NMR 数据导入 SIMCA-P 13.0 软件进行主 成分分析,进一步评价恒山黄芪的化学成分。

2 结果与分析

2.1 方法学考察

精密度实验中分段积分法计算相关系数结果分 别为 0.998、0.996、0.995、0.993 和 0.992,相关系数 都大于 0.99,证明仪器精密度高。重复性实验中相 关系数计算结果分别为 0.997、0.994、0.995、0.998 和 0.996,从 5 次相关系数都大于 0.99,可以看出该 提取方法重复性良好。稳定性实验中相关系数计算 结果分别为 0.994、0.995、0.996、0.992 和 0.993,从 5 次相关系数都大于 0.99,可以看出在室温条件下 24 h 内供试品溶液稳定。

2.2 恒山黄芪¹H-NMR 的典型信号归属

用于¹H-NMR 指纹图谱研究的提取对象是混合 体系,而非单体化合物,因而化合物的鉴定,会有其他 成分的干扰,按照文献[20]的报道,在氖代溶剂中加入 一定 pH 范围的缓冲盐(本研究加入 pH7.5 的磷酸缓 冲液),可以有效地缓解各成分化学位移值的漂移,从 而降低成分间的干扰,提高 NMR 分析的准确性。 图 1 为典型的恒山黄芪¹H-NMR 谱图(500 MHz, CDCl₃),采用"加标准品定性"实验进行黄芪皂苷 I、 II、III、黄芪甲苷、芒柄花素、芒柄花苷、毛蕊异黄 酮、毛蕊异黄酮苷 8 种成分的¹H-NMR 信号归属。 比对数据库 HMDB(www.hmdb.ca)和 BMRB(www. bmrb.wisc.edu)及相关文献^[1, 24-27]进行其余代谢次级 代谢产物、氨基酸、糖类等成分的¹H-NMR 信号归 属。结果,从恒山黄芪中共鉴定出了24种化合物, 其中6个异黄酮类化合物、7个皂苷类化合物(结构 见图 2)和其他 11 个初级代谢产物。

为了方便描述,将黄芪¹H-NMR 谱图分为 3 个 部分:黄酮类成分(主要是芳香区域 δ 5.0~9.0)、皂苷 类成分(主要是糖区域 δ 2.0~5.0)、氨基酸类成分(主 要是脂肪区域 δ 0.5~2.0),以下分别为 3 个区域核磁 数据分析和化学信号归属。

黄酮类成分:与芒柄花素的相似信号δ3.78(s), 6.86(d, 2.0), 6.96(2H, d, 7.2), 6.92(dd, 2.0, 8.8), 7.48(2H, d, 8.4);与芒柄花苷相似的信号δ3.81(s), 7.26(s), 5.10(d, 7.2), 7.01(d, 8.5), 7.16(d, 1.5), 7.54(d, 8.5);与毛蕊异黄酮相似的信号δ3.78(s), 7.04(s), 6.84(d, 2.4), 7.94(d, 8.8);与毛蕊异黄酮苷 相似的信号δ3.78(s), 6.94(s), 7.04(s), 5.05(d, 5.2), 6.84(d, 2.4), 6.91(d, 2.4), 7.94(d, 8.8);与3-羟基-9, 10-二甲氧基紫檀烷相似的信号δ3.70(s), 3.72(s), 5.54(s), 6.25(s), 6.46(dd, 8.0, 8.4), 6.96(d, 8.0),



Fig.1 Characteristic ¹H-NMR signal peak of Hengshan Astragalus membranaceus medicinal materials

7.28(d, 8.4); 与 9, 10-二甲氧基紫檀烷-3-O-β-D-葡萄 糖苷相似的信号 δ 3.73(s), 3.74(s), 5.56(s), 4.85(d, 7.5), 6.55(d, 7.5), 6.72(d, 2.4), 7.01(d, 8.5), 7.42(d, 8.5)。

皂苷类成分:恒山黄芪的核磁数据中与黄芪皂 苷 I 相似的信号(化学位移、耦合常数、裂峰等),包 括 δ 0.93(s), 1.27(s), 1.30(s), 1.42(s), 1.60(s), 1.79(s), 1.97(s), 2.03(s), 2.52(d, 8.0), 3.14(dd, 21.0, 11.5), 3.39(dd, 11.5, 4.5), 3.80(ddd, 8.5, 8.5, 3.5), 4.82(d, 7.5), 4.93(d, 7.5); 与黄芪皂苷Ⅱ相似的信号 $\delta 0.93(s), 1.27(s), 1.31(s), 1.41(s), 1.58(s), 1.80(s),$ 2.04(s), 2.51(d, 7.5), 3.39(dd, 11.0, 4.0), 3.76(ddd, 10.0, 9.0, 3.0), 3.88(dd, 8.0, 5.5), 4.77(d, 8.0), 4.97(dd, 14.2, 7.2), 4.90(d, 7.5); 与黄芪皂苷 III 相似 的信号 δ 1.01(s), 1.19(s), 1.30(s), 1.32(s), 1.44(s), 1.45(3 s), 1.96(s), 2.55(d, 7.5), 3.12(dd, 21.4, 11.0), 3.57(dd, 11.5, 4.5), 3.75(ddd, 9.0, 9.0, 3.5), 4.93(d, 6.5), 5.04(dd, 14.0, 7.0), 5.42(d, 7.5); 与黄芪甲苷相 似的信号 δ 0.95(s), 1.30(s), 1.38(s), 1.42(s), 1.59(s), 2.06(s), 2.53(d, 9.0), 3.14(dd, 200, 10.5), 3.80(ddd, 8.5, 8.5, 4.0), 4.88(d, 6.5), 4.92(d, 7.5); 与 异黄芪苷 I 相似的信号 δ 0.93(s), 1.28(s), 1.31(s), 1.42(s), 1.59(s), 1.82(s), 1.96(s), 2.03(s), 2.53(d, 7.6), 3.14(dd, 21.0, 10.6), 3.78(ddd, 9.0, 9.0, 3.8), 3.89(dd, 9.2, 5.2), 4.80(d, 7.8), 4.94(d, 7.4), 4.99(dd, 14.8, 7.2); 与异黄芪苷 II 相似的信号 δ 1.02(s), 1.11(s), 1.28(s), 1.30(s), 1.36(s), 1.48(s), 1.50(s), 2.00(s); 2.53(d, 7.6), 3.14(dd, 21.0, 10.6), 3.39(dd, 11.2, 4.4), 3.78(ddd, 9.0, 9.0, 3.8), 3.89(dd,

9.2, 5.2), 4.80(d, 7.8), 4.94(d, 7.4), 4.99(dd, 14.8, 7.2); 与环黄芪醇相似的信号δ1.03(s), 1.30(s), 1.33(s), 1.37(s), 1.45(s), 1.58(s), 1.89(s), 1.96(dd, 12.0, 4.0), 2.06(dd, 11.5, 9.0), 2.55(d, 7.5), 3.12(dd, 11.5, 9.0), 3.66(dd, 11.5, 4.5), 3.80(d, 9.5), 3.89(dd, 9.0, 5.5)。

氨基酸类成分:与甘氨酸相似的信号,包括δ 3.60(s);与丙氨酸相似的信号,包括δ1.49(d,7.2); 与缬氨酸相似的信号,包括δ1.06(d,6.6),1.00(d, 7.2);与脯氨酸相似的信号,包括δ2.08(m), 2.36(m),4.16(dd,8.4,6.6);与苏氨酸相似的信号,包 括δ1.33(d,6.6),4.20(m);与天冬酰胺相似的信号,包 括δ2.85(dd,7.8,16.8),2.95(dd,4.2,16.8), 4.01(dd,7.8,4.2);与苹果酸相似的信号,包括δ 2.66(d,3.0),2.68(d,3.0);与胆碱相似的信号,包括δ 3.21(s);与尿苷相似的信号,包括δ5.89(dd,4.2, 7.2),7.93(d,7.8),3.85(dd,12.6,3.6);与腺苷相似的 信号,包括δ6.03(d,6.6),8.23(s),8.35(s);与蔗糖相 似的信号,包括δ4.03(t,8.4),4.18(d,9.0),5.40(d, 4.2),3.44(t,8.4),3.82(m),3.53(dd,9.9,3.6),3.70(t, 9.6)。

2.3 恒山黄芪典型¹H-NMR 指纹图谱以及相似度分析

将 10 批恒山黄芪、3 批蒙古黄芪和 3 批甘肃黄 芪的¹H-NMR 测定数据导入 MestReNova 软件,通过 处理不同年限的恒山黄芪的积分面积,以相关系数为 标准,使用中值向量法计算得到 10 批恒山黄芪不同 氢核磁共振指纹图谱的共有模式 R(图 3 中对照图 谱 R)。通过分析其相同成分(¹H-NMR 中显示相同 信号),确定共有峰,并依据化学位移和耦合常数等,

 \cdot 51 \cdot



对其化学成分进行鉴定,得到了 10 批恒山黄芪的[']H-NMR 特征指纹图谱(见图 3)。通过谱图直观分析, 可以看到蒙古黄芪(赤峰、乌兰察布、包头)、甘肃黄 芪(陇西、岷县、渭源县)、恒山黄芪(山西浑源)3 个 不同省份产的黄芪的提取物,其[']H-NMR 谱图峰形以

及化学位移、耦合常数等在高中低场区基本相同,证 明3个不同省份产的黄芪都含有异黄酮类、皂苷类、 氨基酸类等成分。但在部分场区仍有一定差异,如在 低场区(δ7.0~7.7),异黄酮的信号峰的强度存在着一 定差异,恒山黄芪的信号峰强度明显高于蒙古黄芪和



甘肃黄芪,说明恒山黄芪的异黄酮含量高于蒙古黄芪 和甘肃黄芪。而在高场区(δ0.8~2.0),恒山黄芪、蒙 古黄芪、甘肃黄芪的信号峰数量以及峰形有一定的 差别,表明它们的氨基酸、脂肪酸类、以及部分糖基 等有一定差别。

以共有模式 R 作为标准,在 Excel 软件中计算 三个不同产地以及不同年限的黄芪的相似度。相似 度评价结果见表 2。从表中结果中可以看出,10 批 恒山黄芪的相识度都在 0.9 以上,而 3 批甘肃黄芪的 相似度分别是 0.774、0.753、0.761,3 批蒙古黄芪的 相似度分别是 0.858、0.845、0.833。相识度分析结 果与¹H-NMR 谱图分析结果一致,说明 3 个不同省 份产的黄芪在化学成分上和含量上有明显的差异 性。10 批恒山黄芪样品的氢核磁共振指纹图谱的平 均相似度为 0.975,结果表明不同年限恒山黄芪的¹H-NMR 图谱总体相似,差异较小,同时还可以看到,编 号 Am-02、Am-05、Am-06、Am-10 恒山黄芪相较于 其他年限的恒山黄芪相似度相对略低,表明这四批样 品相较于其他样品存在一定差异。

表 2 相似度评价结果 Table 2 Similarity evaluation result

编号	相似度	编号	相似度
Am-01	0.996	Am-06	0.955
Am-02	0.968	Am-07	0.986
Am-03	0.979	Am-08	0.984
Am-04	0.994	Am-09	0.994
Am-05	0.963	Am-10	0.929
甘肃黄芪-01	0.774	蒙古黄芪-01	0.858
甘肃黄芪-02	0.753	蒙古黄芪-02	0.845
甘肃黄芪-03	0.761	蒙古黄芪-03	0.833

2.4 主成分分析

2.4.1 贡献率分析 为了进一步评价不同乡村产的 恒山黄芪药材的质量差异性,将 10 批次样品的恒山 黄芪的¹H-NMR 数据导入 SIMCA-P 13.0 软件进行 主成分分析。数据采用中心化方法(Mean-centering and Not Scaling)进行尺度同一化处理。通过主成分 分析(见表 3),可以看出恒山黄芪中的前 4 个主成分 能够预测 95.5% 的变量(图 4), R²X 和 Q² 分别为 0.955 和 0.629, 对于变量具有良好的预测能力。主成分个数的提取原则为其对应的特征值大于 1, 故取前 3 个作为主成分, 其累计贡献率达到 89.8%, 它代表了所研究'H-NMR 的 89.8% 的信息量。因为相差越大, 贡献率越高, 因而从图 4 中看出, 排在第一和第二的主成分对于变量, 贡献率分别为 51.8% 和 20.6%, 是恒山黄芪最重要的成分群, 因此前两个主成分能够预测大部分的变量。

表 3 抽取的主成分特征值及贡献率 Table 3 The characteristic value and contribution of principal components

r r · · · ·								
主成分因子	特征值	方差贡献率(%)	累计贡献率(%)					
1	5.18	51.8	51.8					
2	2.06	20.6	72.3					
3	1.75	17.5	89.8					
4	0.562	5.62	95.5					
5	0.218	2.18	97.6					
6	0.112	1.12	98.8					
7	0.076	0.76	99.5					
8	0.0275	0.275	99.8					
9	0.0212	0.212	100					



图 4 恒山黄芪主成分贡献率分析 Fig.4 Analysis of contribution rate of the main components of Hengshan Astragalus membranaceus

由图 5 主成分因子相关图可以看出,前 2 个主 成分因子与化学位移 δ 0.98~1.72, 1.84~2.44, 2.80~ 3.12, 3.88~4.16, 5.36~6.76, 7.08~7.32, 7.76~7.96 这 六个分段峰内特征峰高度正相关,说明其对样品的区 分评价贡献最大。而根据恒山黄芪¹H-NMR 的典型 信号归属分析, 0.98~1.72, 1.84~2.44, 2.80~3.12,



3.88~4.16 分段, 主要是三萜皂苷特征峰集中的区域, 5.36~6.76, 7.08~7.32, 7.76~7.96 分段, 主要是异黄酮 特征峰集中的区域, 中国药典中恒山黄芪的主要药物 化学成分也集中体现在这两类物质中, 而¹H-NMR 的 PCA 分析也证实了其与药典的统一性, 上述高度 正相关的特征峰在恒山黄芪药材的质量控制中有相 对重要的作用, 而¹H-NMR 的快速分析也证实了其广 泛有效的应用性。

2.4.2 恒山黄芪的主成分分析 主成分分析研究结 果与相似度评价结果基本一致,建立的¹H-NMR 指纹 图谱结合多元统计分析方法可用于恒山黄芪的质量 控制和评价。主成分分析的二维得分图和 3D 图见 图 6。图 6二维得分图显示,不同采样地点的恒山黄 芪数据点相互交错,均呈现出较松散的分布,样品离 散度相似且化学成分组呈现出一定的变异,然而, 10 批恒山黄芪在 PCA 分析聚为 2 类(样品 Am-01、 Am-02、Am-04、Am-05、Am-09 聚为一类,样品 Am-03、Am-06、Am-07、Am-08、Am-10 聚为一类), 但聚类分组不明显, 而样品 Am-02、Am-05、Am-06、Am-10距离中心点较远。图 6 的 3D 图显示恒 山黄芪较为集聚(Am-10远离群落,这与相似性分析 结果一致),表明该组内的均一性相对较好,在建立的 三维坐标图中,不同来源的恒山黄芪集中在三维的位 置,说明10批的恒山黄芪样品化学成分差异较小。 综合主成分分析说明浑源县不同地点生长的恒山黄 芪,虽然生长环境有所不同,但在化学成分上不存在 显著差异,具有很强的相似性。





对比分析 Am-02、Am-05、Am-06、Am-10 的采 样地点,可以得出恒山黄芪主要化学成分与其生态因 子,特别是地区海拔有着密切关系。研究已经证实,海拔高度和经纬度是影响植物布局及其生长发育的重要因子,在一定范围内,海拔高度对植物化学成分有显著影响^[28-30]。恒山黄芪最适宜生长的海拔高度为1400~1800m^[31],而Am-02、Am-05、Am-06、Am-10的生长海拔分别为1845、1910、1270和1856m,并且从主成分3D图可以看出Am-02、Am-05、Am-10的成分差异性更大,说明恒山黄芪的主要化学成分随海拔的增高而差异性变大。这一结果,也与胡明勋等^[32]基于 HPLC-DAD 分析环境因素对黄芪的黄酮和皂 苷类成分的影响结果一致。

3 结论与讨论

通过不同来源恒山黄芪的相似度分析和主成分 分析,发现浑源县不同地方产的恒山黄芪化学成分不 存在明显差异性,建立了典型的恒山黄芪¹H-NMR 指 纹图谱,鉴别其存在 24 种化合物,包括三萜皂苷、异 黄酮、氨基酸、有机酸、糖等,三萜主要有黄芪皂苷 I、黄芪皂苷 II、黄芪皂苷 III、黄芪甲苷、异黄芪苷 I、异黄芪苷 II、环黄芪醇;异黄酮主要有芒柄花素、 芒柄花苷、毛蕊异黄酮、毛蕊异黄酮苷、3-羟基-9, 10-二甲氧基紫檀烷、9,10-二甲氧基紫檀烷-3-Ο-β-D-葡萄糖苷。

现行的¹H-NMR 分离技术常用于对中药材进行 系统生物分离后再进行 NMR 分析,本研究未经系统 的生物分离过程,也达到了快速分析的目的,和高效 液相图谱分析相比,基于氢核磁共振的灵敏性可以更 快速的更全面的显示出恒山黄芪中的含量成分。为 了更精密的测量恒山黄芪指纹图谱中的信号,可进一 步采取将二维核磁共振(2D-NMR)图谱与高分辨质 谱结合的方法,可对重叠信号进行一定的分离并提供 更多的结构鉴定信息。

PCA 相关分析结果表明, 恒山黄芪的主要化学成分含量与海拔有一定的相关性, 恒山黄芪作为山西地道药材, 其表现出的品质优势是恒山地区多种环境因子决定的, 是特定的气候条件下, 海拔、经纬度、气候、土壤的综合影响的结果。而生态因子对药材品质的影响是多方位的, 因此后续研究应采用应用多元统计分析方法, 同时分析不同生态因子相互作用的影响, 进一步分析生态因子对药材化学成分代谢的关键酶。

参考文献

[1] 卞云云, 管佳, 毕志明, 等. 蒙古黄芪的化学成分研究[J]. 中 国药学杂志, 2006, 41(16): 1217-1221. [BIAN Y Y, GUAN J, BI Z M, et al. Studies on chemical constituents of *Astragalus membranaceus* (Fisch.) Bge. var. *mongholicus* (Bge.) Hsiao[J]. Chinese Pharmaceutical Journal, 2006, 41(16): 1217-1221.]

[2] LIU R, ZHANG H C, LI H, et al. Obtaining diverse metabolic profiles from endophytic *Aspergillus fumigates* in *Astragalus membranaceus* using the one strain-many compounds method[J]. Chemistry of Natural Compounds, 2021, 57: 194–196.

[3] ZHANG H C, LIU R, ZHOU F. Chaetoglobosins in endophytic *Chaetomium* sp. from *Astragalus membranaceus* [J]. Chemistry of Natural Compounds, 2021, 57: 401–403.

[4] 田华,邓雁如,周坤,等. 蒙古黄芪的化学成分研究[J]. 中国 实验方剂学杂志, 2016, 22(7): 70-73. [TIAN H, DENG Y R, ZHOU K, et al. Chemical constituents of *Astragalus membranaceus* var. *mongholicus*[J]. Chinese Journal of Experimental Traditional Medical Formulae, 2016, 22(7): 70-73.]

[5] 谢静,龚易昕悦,丁立生,等.黄芪及其活性成分对脓毒症临 床和药理作用的研究进展[J].中草药,2021,52(8):2502-2510.

[XIE J, GONG Y X Y, DING L S, et al. Progress in clinical and pharmacological studies of *Astragali Radix* and its active components against sepsis[J]. Chinese Traditional and Herbal Drugs, 2021, 52(8): 2502–2510.]

[6] 孔祥琳, 吕琴, 李运伦, 等. 黄芪甲苷对心脑血管疾病的现代 药理作用研究进展 [J]. 中国实验方剂学杂志, 2021, 27(2): 218-223. [KONG X L, LV Q, LI Y L, et al. Advances in research on pharmacological effect of astragaloside IV on cardiovascular and cerebrovascular diseases [J]. Chinese Journal of Experimental Traditional Medical Formulae, 2021, 27(2): 218-223.]

[7] 易伦朝, 吴海, 梁逸曾. 色谱指纹图谱与中药质量控制[J]. 色谱, 2008, 26(2): 166-171. [YILZ, WUH, LIANGYZ. Chromatographic fingerprint and quality control of traditional Chinese medicines[J]. Chinese Journal of Chromatography, 2008, 26(2): 166-171.]

[8] 姚静, 孙欣光, 董蓉, 等. HPLC-CAD 一测多评法同时测定黄 芪中 6 种成分含量[J]. 药学学报, 2021, 56(2): 557-564. [YAO J, SUN X G, DONG R, et al. Simultaneous quantitative analyses of six components in *Astragalus membranaceus* based on HPLC-CAD and quantitative analysis of multi-components with a singlemarker[J]. Acta Pharmaceutica Sinica, 2021, 56(2): 557-564.]

[9] 徐翠珊, 陈俭双, 张舒彦, 等. 复方麝香黄芪滴丸 HPLC 指纹 图谱的建立及多成分含量测定[J]. 中国新药杂志, 2020, 29(16): 1894–1901. [XUCX, CHEN J S, ZHANG S Y, et al. Establishment of HPLC fingerprint and determination of multiple components in Compound Shexiang Huangqi Dropping Pills[J]. Chinese Journal of New Drugs, 2020, 29(16): 1894–1901.]

[10] LI A P, LI Z Y, JIA J P, et al. Chemical comparison of coat and kernel of mung bean by nuclear magnetic resonance-based metabolic fingerprinting approach[J]. Spectroscopy Letters, 2016, 49(3): 217–224.

[11] LI Z Y, ZHANG Z Z, DU G H, et al. Comparative analysis of Danggui and European Danggui using nuclear magnetic resonancebased metabolic fingerprinting[J]. Journal of Pharmaceutical and Biomedical Analysis, 2015, 103: 44–51.

[12] 范刚, 罗尚华, 李艳, 等. 基于¹H-NMR 代谢组学技术的中 药质量评价 [J]. 世界科学技术-中医药现代化, 2013, 15(9): 1862-1870. [FAN G, LUO S H, LI Y, et al. Quality evaluation of traditional Chinese medicine by H-NMR-based metabolomics [J]. Modernization of Traditional Chinese Medicine and Materia Medica-World Science and Technology, 2013, 15(9): 1862-1870.]

[13] LIU Y, FAN G, ZHANG J, et al. Metabolic discrimination of

sea buckthorn from different Hippophaë species by ¹H-NMR based metabolomics [J]. Scientific Reports, 2017, 7(1): 1585–1595.

[14] FAN G, ZHANG M Y, ZHOU X D, et al. Quality evaluation and species differentiation of *Rhizoma coptidis* by using proton nuclear magnetic resonance spectroscopy[J]. Analytica Chimica Acta, 2012, 747: 76–83.

[15] FAN G, LUO W Z, LUO S H, et al. Metabolic discrimination of *Swertia mussotii* and *Swertia chirayita* known a "Zangyinchen" in traditional tibetan medicine by ¹H-NMR-based metabolomicsy[J]. Journal of Pharmaceutical and Biomedical Analysis, 2014, 98: 364–370.

[16] KIM H K, CHOI Y H, VERPOORTE R. NMR-based metabolomic analysis of plant[J]. Nature Protcols, 2010, 5(3): 536–549.
[17] KOOY VDF, MALTESE F, CHOI Y H, et al. Quality control of herbal material and phytopharmaceuticals with MS and NMR based metabolic fingerprinting[J]. Planta Medica, 2009, 75(7): 763–775.

[18] 吕经纬, 李春楠, 高晓晨, 等. 基于核磁共振氢谱代谢组学 结合分子对接技术筛选补肾壮骨汤促睾酮合成活性成分[J]. 分 析化学, 2021, 49(5): 779-789,147-151. [LV J W, LI C N, GAO X C, et al. Screening of active ingredients of Bushen Zhuanggu decction for promoting testosterone synthesis based on ¹H NMR metabolomics combined with molecular dcking technology[J]. Chinese Journal of Analytical Chemistry, 2021, 49(5): 779-789,147-151.]

[19] 齐彦爽, 李静, 郭冬, 等. 基于核磁共振代谢组学技术的款 冬茎和叶的化学成分比较 [J]. 中国药学杂志, 2019, 54(8): 608-613. [QIYS, LIJ, GUOD, et al. Chemical comparison of the stems and leaves of *Tussilago farfara* L. using NMR-based metabolomics [J]. Chinese Pharmaceutical Journal, 2019, 54(8): 608-613.]

[20] 刘文静, 刘瑶, 宋青青, 等. 利用¹H-NMR 比较管花肉苁蓉 野生品和栽培品的化学成分组[J]. 中国中药杂志, 2018, 43(17): 3506-3512. [LIU W J, LIU Y, SONG Q Q, et al. Chemome comparison between cultivated and wild *Cistanche tubulosa* using ¹H-NMR spectroscopy[J]. China Journal of Chinese Materia Medica, 2018, 43(17): 3506-3512.]

[21] 李玮,杨红梅,王浩,等.基于¹H-NMR 代谢组学初步比较 真蜂蜜和掺假蜂蜜差异成分 [J]. 食品工业科技, 2019, 40(7): 218-223,227. [LI W, YANG H M, WANG H, et al. Comparison of chemical constituents in honey and adulterated honey based on ¹H-NMR metabonomics [J]. Science and Technology of Food Industry, 2019, 40(7): 218-223,227.]

[22] 郭淑娟,朱晟永,贾悦,等. 基于主成分分析微波提取圆头 蒿多糖工艺中单糖组分变化[J]. 食品工业科技, 2020, 41(22): 267-274. [GUO S J, ZHU S Y, JIA Y, et al. Changes of monosaccharide components in microwave extraction of *Artemisia sphaercephala* polysaccharides based on principal component analysis[J]. Science and Technology of Food Industry, 2020, 41(22): 267-274.]

[23] 何佳, 黄文康, 马相锋, 等. 基于主成分分析与 PLS-DA 分析研究浙麦冬道地性与等级评价标准[J]. 中国药学杂志, 2021, 56(4): 285-292. [HE J, HUANG W K, MA X F, et al. Geoherbal-

ism and grand evaluation of Zhejiang Ophiopogon japonicas based on PCA and PLS-DA[J]. Chinese Pharmaceutical Journal, 2021, 56(4): 285–292.]

[24] 王青虎, 王秀兰, 奥·乌力吉, 等. 蒙古黄芪化学成分的研究

[J]. 中国药学杂志, 2014, 49(5): 357-359. [WANG Q H, WANG X L, AO W L J, et al. Chemical constituents of roots of *Astragalus membranaceus*(Fisch) Bge. var. *mongholicus* (Bge) Hsiao[J]. Chinese Pharmaceutical Journal, 2014, 49(5): 357-359.]

[25] 孙洁, 张蕾, 张晓拢, 等. 蒙古黄芪的化学成分研究[J]. 现 代药物与临床, 2013, 28(2):138-143. [SUN J, ZHANG L, ZHANG X L, et al. Chemical constituents from *Astragalus membranaceus* var. *mongholicus*[J]. Drugs and Clinic, 2013, 28(2): 138-143.]

[26] ALANIYA M D, KAVTARADZE N S, LAVOIE S, et al. Chemical constituents of the aerial part of *Astragalus bungeanus*[J]. Chemistry of Natural Compounds, 2011, 46: 1001–1003.

[27] HE Z Q, FINDLAY J A. Constituents of *Astragalus membranaceus*[J]. Journal of Natural Products, 1991, 54(3): 810–815.

[28] SAFFARIHA M, AZARNIVAND H, ZARE CHAHO-UKI M A, et al. Changes in the essential oil content and composition of *Salvia limbata* C. A. Mey at different growth stages and altitudes[J]. Biomedical Chromatography, 2021: e5127.

[29] TANG J F, WANG W D, YANG L, et al. Variation in quantity and chemical composition of soil dissolved organic matter in a peri-urban critical zone observatory watershed in Eastern China[J]. Science of The Total Environment, 2019, 688: 622–631.

[30] 沈燕金, 张一扬, 李德青, 等. 文山烟叶主要化学成分与海 拔 经 纬 度 相 关 性 分 析 [J]. 湖 南 农 业 科 学, 2015(11): 29-31. [SHEN Y J, ZHANG Y Y, LI D Q, et al. Correlation analysis between chemical compositions of flue-cured tobacco leaves and altitude, longitude and latitude in Wenshan[J]. Hunan Agricultural Sciences, 2015(11): 29-31.]

[31] 刘瑞. 恒山黄芪内生真菌及其代谢产物研究与应用 [M]. 北京: 中国农业出版社, 2020: 1-12. [LIU R. Research and application of metabolites of endophytic fungi from Hengshan *Aspergillus fumigatus*[M]. Beijing: China Agriculture Press, 2020: 1-12.]

[32] 胡明勋, 陈安家, 郭宝林, 等. 影响山西恒山野生蒙古黄芪 质量的环境因素研究[J]. 中草药, 2005, 40(5): 984–989. [HU M X, CHEN A J, GUO B L, et al. Effects of environmental factors on quality of wild *Astragalus membranaceus* var. *mongholicus* grown in Hengshan Mountain, Shanxi Province[J]. Chinese Traditional and Herbal Drugs, 2005, 40(5): 984–989.]